

DICHIARAZIONE SOSTITUTIVA DI CERTIFICAZIONE
(art. 46 del DPR 445/2000)

La sottoscritta MARZANO MARINELLA, nata a BARI (BA) il [REDACTED] in [REDACTED] **consapevole** della responsabilità penale prevista, dall'art. 76 del D.P.R. 445/2000, per le ipotesi di falsità in atti e dichiarazioni mendaci ivi indicate

D I C H I A R A

che quanto affermato nel presente curriculum vitae, datato 09/07/2026, corrisponde al vero.

Curriculum Vitae et Studiorum
Dott.ssa Marinella Marzano

Nome: **MARINELLA** Cognome: **MARZANO**

Nata [REDACTED] Nazionalità: Italiana

CF: [REDACTED] Indirizzo: [REDACTED]

Stato civile: [REDACTED] N. figli: [REDACTED]

Cellulare: [REDACTED]

E-mail: [REDACTED]

Indirizzo PEC: [REDACTED]

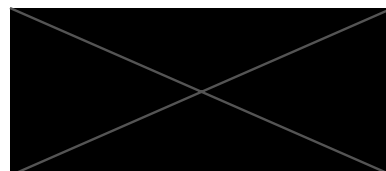
Researcher unique identifier: 0000-0002-9996-8817

URL for web site: <http://www.ibiom.cnr.it/divisione/cnr/>

PRESENTAZIONE

Laureata in Scienze Biologiche, Dottore di Ricerca in "Difesa e Qualità delle produzioni agro-alimentari e forestali", è Primo Ricercatore presso l'Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM) CNR di Bari. Si è specializzata in Biologia Molecolare e Bioinformatica. Durante il Dottorato di Ricerca (anni 2005-2008) ha condotto ricerche presso l'Istituto di Scienze delle Produzioni Alimentari (ISPA) del CNR di Bari riguardanti l'isolamento e la caratterizzazione eco-fisiologica e molecolare di funghi potenzialmente utili per la lotta biologica e integrata. Da Settembre 2008 fino a Febbraio 2011, in veste di titolare di un contratto di ricerca nell'ambito del progetto finanziato MUR-IBM Italia "Formazione avanzata di ricercatori esperti in Bioinformatica per lo studio della biodiversità molecolare", ha collaborato con l'Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM, ex IBBE) e l'Istituto di Tecnologie Biomediche (ITB) del CNR di Bari, allo scopo di sviluppare, ottimizzare ed applicare protocolli sperimentali per la caratterizzazione molecolare, in particolare tassonomica e genetico-funzionale, mediante l'impiego di tecnologie di Next Generation Sequencing (NGS), dei microrganismi potenzialmente coinvolti in condizioni patologiche o in processi produttivi. Da Giugno 2011 fino ad Agosto 2011, è risultata vincitrice di un contratto a tempo determinato profilo ricercatore livello III ai sensi dell'art.23 del DPR 171/91 presso l'ITB del CNR di Bari finalizzato alla produzione di dati di biodiversità molecolare mediante l'utilizzo della piattaforma di sequenziamento NGS, 454 Roche. A partire da Marzo 2012 ad oggi, la Dott.ssa Marzano svolge attività di ricerca presso l'IBIOM-CNR di Bari nell'ambito di diversi progetti, regionali, nazionali e internazionali, con l'obiettivo di sviluppare, ottimizzare e validare metodologie sperimentali, basate sull'impiego di piattaforme di sequenziamento di seconda e terza generazione, e di applicare strumenti bioinformatici per l'analisi delle biosequenze. A partire da Luglio 2015, svolge attività di supporto alla progettazione di un sistema di Quality Management System (QMS), ispirato alle indicazioni delle Good Laboratories Practices (GLP), nell'ambito del laboratorio di Biodiversità, MoBiLab (LifeWatch), ed attività riguardanti l'analisi del fabbisogno delle imprese del settore biotec finalizzata alla progettazione e realizzazione di progetti innovativi a compartecipazione pubblico-privata. Contestualmente alle attività di ricerca sperimentali, partecipa alla stesura di proposte progettuali per candidature a bandi nazionali ed internazionali, di manoscritti su riviste internazionali e di deliverable correlati ai progetti di interesse, e svolge attività didattica di supporto per l'Università degli Studi di Bari.

Bari, 09/07/2026



ESPERIENZE LAVORATIVE

- Date
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

01 GENNAIO 2023

Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR), Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM), Bari

PRIMO RICERCATORE II livello

Sviluppo, ottimizzazione e validazione di protocolli sperimentali e metodologie bioinformatiche per l'analisi di acidi nucleici mediante impiego di piattaforme di sequenziamento massivo di seconda e terza generazione. per la caratterizzazione di microrganismi, procariotici e fungini, residenti in campioni di diversa natura e complessità tassonomica.

- Date
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

01 FEBBRAIO 2022 – INDETERMINATO

Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR), Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM), Bari

RICERCATORE III livello

Attività di ricerca nell'ambito della genomica e della bioinformatica applicata, con esperienza nello sviluppo, ottimizzazione e validazione di protocolli sperimentali per l'analisi di acidi nucleici mediante tecnologie di sequenziamento di nuova generazione (NGS), nonché nella gestione e interpretazione di dati di sequenziamento massivo per applicazioni nello studio della biodiversità e nella ricerca biomedica.

- Date
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di impiego
- Riferimenti
- Principali mansioni e responsabilità

01 MARZO 2019 – 31 GENNAIO 2022

Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM), CNR, Bari

RICERCATORE A TEMPO DETERMINATO, III livello

Protocollo IBBE-CNR-IBIOM n. 0000106 del 06/02/2019

Sviluppo, ottimizzazione e validazione di protocolli sperimentali e metodologie bioinformatiche, basati sull'applicazione di approcci metagenomici mediante impiego di piattaforme di sequenziamento massivo, per la caratterizzazione di agenti microbici coinvolti in processi produttivi di alimenti freschi prodotti da farine.

- Date
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di impiego
- Riferimenti
- Principali mansioni e responsabilità

01 GENNAIO 2018 – 28 FEBBRAIO 2019

Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM), CNR, Bari

ASSEGNO DI RICERCA nell'ambito del progetto Lifewatch

Protocollo IBBE-CNR n. 0002281 del 11/12/2017 e provvedimento di rinnovo Protocollo IBBE-CNR n. 0002560 del 18/12/18

Sviluppo di protocolli sperimentali e di strumenti bioinformatici innovativi per lo studio della biodiversità molecolare

- Date
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di impiego

10 OTTOBRE 2016 – 31 DICEMBRE 2017

Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM), CNR, Bari

CONTRATTO DI PRESTAZIONE D'OPERA in regime di collaborazione coordinata e continuativa nell'ambito del progetto DICLIMAX

Protocollo IBBE-CNR n. 0001112 del 08/09/2016

Sviluppo ed ottimizzazione di protocolli sperimentali e metodologie bioinformatiche per la caratterizzazione molecolare di tumori polmonari

- Riferimenti
- Principali mansioni e responsabilità

- Date
- Nome e indirizzo del datore di lavoro

01 SETTEMBRE 2015 – 31 AGOSTO 2016

Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM), CNR, Bari

Bari, 9/07/2026

Firma

2



• Tipo di impiego • Riferimenti • Principali mansioni e responsabilità	ASSEGNO DI RICERCA nell'ambito del progetto Lifewatch Protocollo IBBE n.0001763 del 31/07/15 Sviluppo e validazione di metodologie sperimentali e bioinformatiche per l'analisi di dati metagenomici ottenuti mediante approcci basati su amplificazioni di regioni target per lo studio della biodiversità molecolare.
• Date • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Tipo di impiego • Riferimenti • Principali mansioni e responsabilità	29 AGOSTO 2014 - 28 AGOSTO 2015 Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM), CNR, Bari ASSEGNO DI RICERCA (SECONDO RINNOVO), nell'ambito del progetto PON 01_02589 R&C 2007-2013 Micromap Protocollo IBBE n.0001553 del 28/08/14 Caratterizzazione di agenti microbici coinvolti nell'insorgenza di patologie autoimmuni e tumorali mediante analisi metagenomica con piattaforme di sequenziamento massivo
• Date • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Tipo di impiego	2 MARZO 2013 – 28 AGOSTO 2014 Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM), CNR, Bari ASSEGNO DI RICERCA (RINNOVO), nell'ambito del progetto PON 01_02589 R&C 2007-2013 Micromap Protocollo IBBE n. 0000291 del 01/03/2013 Caratterizzazione di agenti microbici coinvolti nell'insorgenza di patologie autoimmuni e tumorali mediante analisi metagenomica con piattaforme di sequenziamento massivo.
• Riferimenti • Principali mansioni e responsabilità	2 MARZO 2012 – 01 MARZO 2013 Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM), CNR, Bari ASSEGNO DI RICERCA nell'ambito del progetto PON 01_02589 R&C 2007-2013 Micromap Protocollo IBBE n. 0000293 del 02/03/2012 Caratterizzazione di agenti microbici coinvolti nell'insorgenza di patologie autoimmuni e tumorali mediante analisi metagenomica con piattaforme di sequenziamento massivo. Nell'ambito dello stesso progetto è stata ospite per 14 giorni, in qualità di scientific visitor, del Biodiversity Institute of Ontario, University of Guelph, Canada, per attività di ricerca e collaborazione con il gruppo di ricerca del Dr. Mehrdad Hajibabaei.
• Date • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Tipo di impiego	01 GIUGNO 2011- 31 AGOSTO 2011 Istituto di Tecnologie Biomediche (ITB), CNR, BARI CONTRATTO A TEMPO DETERMINATO PROFILO RICERCATORE livello III ai sensi dell'art. 23 del DPR 171/91 Matricola cnr 12917, fascicolo 357.3110 Produzione di dati di biodiversità molecolare mediante l'utilizzo della piattaforma di sequenziamento massivo 454 Roche.
• Riferimenti • Principali mansioni e responsabilità	01 SETTEMBRE 2008- 28 FEBBRAIO 2011 IBM Italia S.p.a CONTRATTO DI RICERCA E FORMAZIONE nell'ambito del PROGETTO LAB. 8 "Laboratorio di Bioinformatica per lo studio della Biodiversità molecolare" Borsista per attività di studio e ricerca per la durata di 30 mesi nell'ambito del progetto sperimentale finanziato dal MUR, assegnato alla IBM Italia S.p.a. ed alla Università Telematica Guglielmo Marconi. Nell'ambito dello stesso progetto, dal 27/10/2009 al 28/02/2011, ha collaborato con l'Istituto di Biomembrane e Bioenergetica (IBBE) del

Bari, 9/07/2026

Firma 3



Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR), sede di Bari, e con l'Istituto di Tecnologie Biomediche (ITB-CNR), Bari.

- Date
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di impiego

01 OTTOBRE 2005- 30 SETTEMBRE 2008

Università degli Studi del Molise, Campobasso e Consiglio nazionale delle ricerche (CNR)

BORSA DI DOTTORATO DI RICERCA finanziata dal CNR sulla base della convenzione quadro tra CNR ed Università e, nello specifico, dell'adesione dell'Istituto di Scienze delle Produzioni Alimentari (ISPA-CNR, Bari) al Dottorato di ricerca in "Difesa e qualità delle produzioni agro alimentari e forestali"

- Riferimenti
- Principali mansioni e responsabilità

specifiche come da rinnovo convenzione protocollo ISPA n. 370 del 01/04/2008

Attività di ricerca finalizzata alla stesura della tesi di dottorato di ricerca ed al conseguimento del titolo

ATTIVITÀ DIDATTICA

- Date
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di impiego

02 LUGLIO 2018 - IN CORSO

Università degli Studi di Bari

CULTURE DELLA MATERIA E COMPONENTE DELLA COMMISSIONE per l'insegnamento "Valorizzazione e gestione dell'innovazione biotecnologica" per il corso di laurea in Biotecnologie mediche e farmaceutiche e Biotecnologie industriali ed Agroalimentari curriculum industriale e agroalimentare, anno accademico 2017/2018.

Protocollo n. 0000682 del 02/07/2018

- Date
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di impiego

ANNO ACCADEMICO 2015/2016

Dipartimento di Bioscienze, Biotecnologie e Biofarmaceutica, Università degli Studi di Bari

ATTIVITA' DIDATTICA DI SUPPORTO, n. ore 32, per le esercitazioni nell'ambito del Corso di Biologia molecolare, modulo A, Corso di laurea di Biotecnologie mediche e farmaceutiche. Docente titolare prof.ssa Anna Maria D'Erchia

Protocollo n. 242/DID del 09/3/2016

- Riferimenti

- Date
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di impiego

ANNO ACCADEMICO 2015/2016

Dipartimento di Bioscienze, Biotecnologie e Biofarmaceutica, Università degli Studi di Bari

ATTIVITA' DIDATTICA DI SUPPORTO, n. ore 24, per le esercitazioni nell'ambito del Corso di Bioinformatica e analisi funzionale del genoma, Corso di laurea di Biotecnologie mediche e medicina molecolare, Docente titolare prof. Graziano Pesole

Non è stata ancora rilasciata la documentazione da parte della segreteria di competenza

- Riferimenti

- Date
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di impiego

ANNO ACCADEMICO 2014/2015

Dipartimento di Bioscienze, Biotecnologie e Biofarmaceutica, Università degli Studi di Bari

ATTIVITA' DIDATTICA DI SUPPORTO, n. ore 8 per le esercitazioni nell'ambito del Corso di Biologia molecolare, modulo A, Corso di laurea di Biotecnologie mediche e farmaceutiche. Docente titolare prof.ssa Anna Maria D'Erchia

Protocollo n. 1045/DID del 28/7/2015

- Riferimenti

- Date
- Bari, 9/07/2026

Firma

4



• Nome e indirizzo del datore di lavoro • Tipo di impiego	FEBBRAIO 2012 – MAGGIO 2012 Liceo Scientifico Convitto Nazionale "Domenico Cirillo" Scuole Annesse, Bari DOCENTE , per la durata complessiva di 30 ore, del modulo "Le scienze per lo sviluppo sostenibile" nell'ambito del progetto PON, percorso C-1-FSE-2011-991 Protocollo n.164/A 28 del 09/01/2012
• Riferimenti	
• Date • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Tipo di impiego	10 NOVEMBRE 2012 ASSOCIAZIONE BIOLOGI AMBIENTALISTI PUGLIESI (ABAP), BARI DOCENZA per n. ore 9 nell'ambito del Master II livello dal titolo "Tecniche di bioinformatica e epidemiologia molecolare applicata alle malattie infettive", per l'insegnamento "Tassonomia molecolare, esercitazione pratica" Protocollo n. 647 del 10/11/2012
• Riferimenti	
• Date • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Tipo di impiego	MARZO-MAGGIO 2011 Convitto Nazionale "Domenico Cirillo" Scuole Annesse, via D. Cirillo, 33-70126 Bari. DOCENTE per n.ore 30 del modulo "Biotecnologie e sostenibilità" nell'ambito del progetto PON, percorso C-1-FSE-2010-3114, dal titolo "Biotecnologie e sostenibilità" Protocollo n. 8897 del 25/07/2011
• Riferimenti	
• Date • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Tipo di impiego • Riferimenti	GENNAIO-DICEMBRE 2011 Istituto istruzione secondaria superiore "ETTORE MAJORANA"- Sede centrale via Tramonte n.2, Bari San Paolo, 70123. DOCENTE , per la durata complessiva di 35 ore, del modulo "Elementi di Chimica e Biologia" per il corso professionale Operatori del benessere. http://www.ipsiamajorana.it/
• Date • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Tipo di impiego	GENNAIO-DICEMBRE 2011 Istituto istruzione secondaria superiore "ETTORE MAJORANA"- Sede centrale via Tramonte n.2, Bari San Paolo, 70123. DOCENTE , per la durata complessiva di 30 ore, del modulo "Fondamenti di Dietologia" per il corso professionale Operatori per la ristorazione. http://www.ipsiamajorana.it/
• Riferimenti	
• Date • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Tipo di impiego	GENNAIO-DICEMBRE 2010 Istituto istruzione secondaria superiore "ETTORE MAJORANA"- Sede centrale via Tramonte n.2, Bari San Paolo, 70123. DOCENTE , per la durata complessiva di 20 ore, del modulo "Biotecnologie" nell'ambito del progetto dal titolo : "Scienza quotidiana: ISS...truzioni per l'uso" (Piano ISS). Protocollo 44-2 del 07/01/2010
• Riferimenti	

PARTECIPAZIONE A PROGETTI DI RICERCA

- Partecipazione al progetto finanziato da Banca D'Italia dal titolo "Approccio Multi-omico per la validazione di biomarcatori per lo screening e diagnosi del tumore ovarico (ABOVE)". Documentazione di riferimento: accordo di collaborazione tra UNIBA e CNR-IBIOM
- Partecipazione al progetto ricerca Horizon Europe "Twinning for excellence to advance research in the activation of anti-tumor immune response after electrochemotherapy combined with gene eletrotransfer of pDNA encoding immune checkpoints inhibitors" Acronimo "ZAP CANCER"-CUP:

Bari, 9/07/2026

Firma

5



B53C24003710005, 4 PM. Documentazione di riferimento: lettera di incarico

- Partecipazione al progetto DIGITAL-2023-CLOUD-AI-04 Type of Action: DIGITAL-SIMPLE, Acronym: GoE, G.A. Number: 10116823: 01/10/24 al 31/03/2028 per 42 mesi 6.98 PM Documentazione di riferimento: lettera di incarico
- progetto REte di Genomica Integrata per Nuove Applicazioni in medicina di precisione – REGINA, codice Progetto T3-AN-03: 400 ore dal 9/4/2026 al 12/02/2027
- Progetto PNRR IR0000010 – “ELIXIRxNextGenerationIT: Consolidamento dell'Infrastruttura Italiana per Dati Omici e la Bioinformatica”: WP3 leader WP3 – Empowering the ELIXIR-IT Integrative Omics Infrastructure, IR0000010, dal 17/04/2025 al 30/06/2026. Responsabile WP3. Documentazione di riferimento: lettera di incarico
- Partecipazione al progetto HORIZON EUROPE- HORIZON-INFRA-2021-EMERGENCY-01, Acronimo “BY-COVID”, Grant n. 101046203 - Titolo Progetto “BeYond COVID”: 01/07/2022 al 30/09/2024 450 ore. Documentazione di riferimento: lettera di incarico
- Partecipazione al progetto PNRR Programma di Ricerca dal titolo “One Health Basic and Translational Research Actions addressing Unmet Needs on Emerging Infectious Diseases PE00000007, INFAC” Documentazione di riferimento: lettera di incarico (Prot. n. 0001554 del 11/10/2022).
- Partecipazione al Progetto HORIZON EUROPE- HORIZON-INFRA-2021-EOSC-01, Acronimo “EuroScienceGateway”, Grant n. 101057388 - Titolo Progetto “Leveraging the European compute infrastructures for data-intensive research guided by FAIR principles”. Documentazione di riferimento: lettera di incarico (Protocollo n. 0001366/2022 del 07/10/2022).
- Partecipazione al Progetto DIGITAL-2021-CLOUD-AI-01, Acronimo “GDI”, Grant n. 101081813 - Titolo Progetto “Genome Data Infrastructure”. Documentazione di riferimento: lettera di incarico (Prot. n. 0001625/2022 del 16/11/2022).
- Partecipazione, in qualità di personale dell'unità operativa, al Progetto PRIN 2022, ammesso a finanziamento, dal titolo “Dissecting a molecular mechanism for cardiac hypertrophy in hypertension: roles of mitochondrial NDUFC2-dependent Complex I dysfunction and of mitochondrial permeability transition”. Documentazione di riferimento: comunicazione di approvazione del progetto e richiesta di suddivisione fondi inviata da Cineca al Dr Salvatore Nesci.
- Partecipazione al progetto PRIN, Bando 2022 PNRR dal titolo “New insight on the neglected zoonotic parasite *Onchocerca lupi*: from -OMICS analyses to diagnosis”. Responsabile di Unità. Documentazione di riferimento: Decreto ammissione finanziamento.
- Partecipazione al PROGETTO DI RICERCA INDUSTRIALE E SVILUPPO SPERIMENTALE NELLE 12 AREE DI SPECIALIZZAZIONE INDIVIDUATE DAL PNR 2015-2020. “IDF SHARID – Innovative Devices For SHAPing the Risk of Diabetes”, codice identificativo ARS01_01270. Documentazione di riferimento: lettera di incarico per svolgimento attività di ricerca (Protocollo CNR-IBIOM n. 0000399/2022 del 25/03/2022).
- Partecipazione al Progetto di Ricerca ARS01_00906 dal titolo “TITAN - Nanotecnologie per l'immunoterapia dei tumori” - CUP B36C18000600005PON TITAN. Documentazione di riferimento: lettera di incarico per svolgimento di attività di ricerca (Prot. n. 0000879 del 26.05.2021, Prot. n. 0000188 del 21.02.2022).
- Partecipazione al Progetto “BeYond COVID, Acronimo: “BY-COVID”. Documentazione di riferimento: Lettera di incarico per svolgimento attività di ricerca (Protocollo CNR-IBIOM n. 0000914/2022 del 24.06.2022)
- Partecipazione al Progetto PRIN: PROGETTI DI RICERCA DI RILEVANTE INTERESSE NAZIONALE – Bando 2017 codice 2017J3E2W2_005: Gut-liver axis and the gut vascular barrier in homeostasis and disease” Documentazione di riferimento: lettera di incarico alla sottoscritta (protocollo

Bari, 9/07/2026



119869/2023).

- Partecipazione al progetto "INNOMA", POR Puglia FESR-FSE 2014 - 2020 - Asse prioritario 1 - Ricerca, sviluppo tecnologico, innovazione - Azione 1.4.b - BANDO INNOLABS - SOSTEGNO ALLA CREAZIONE DI SOLUZIONI INNOVATIVE FINALIZZATE A SPECIFICI PROBLEMI DI RILEVANZA SOCIALE.
- Partecipazione al Progetto "BIOMIS - Costituzione della biobanca del microbiota intestinale e salivare umano: dalla disbiosi alla simbiosi", codice identificativo ARS01_01220 (approvato con Decreto m_pi.AOODPFSR. REGISTRO DECRETI.R.0002298.12-092018) - CUP B36G18001390005. Documentazione di riferimento: Dichiarazioni firmate dal Responsabile progettuale per il CNR attestante l'attività svolta dalla candidata (Prot. IBIOM, n. 210238 e n. 210269), Lettera di incarico interno/autorizzazione allo svolgimento attività di Ricerca Industriale e Sviluppo Sperimentale (Protocollo IBIOM, n. 0000075/2022 del 8/02/2022)
- Partecipazione al Progetto "Miglioramento nei processi produttivi di alimenti freschi prodotti da farine mediante approcci basati su tecnologie omiche ed informazioni complesse, elaborate da un sistema informativo progettato e sviluppato in ambiente Cloud - OMICS4FOOD". Documentazione di riferimento: Contratto di lavoro a tempo determinato prot. AMMCEN 0010516 del 13/02/2019, facente riferimento alla lettera di assunzione Protocollo IBIOM-CNR n. 0000106 del 06/02/2019 e relative proroghe.
- Partecipazione al Progetto PON MICROMAP-Sviluppo di una piattaforma tecnologica multiplex per diagnostica molecolare, portatile ed automatizzata, basata sulla logica strumentale del lab-on-chip, in grado di consentire applicazioni multiparametriche in campo infettivologico. Documentazione di riferimento: Atti di conferimento alla sottoscritta degli assegni di ricerca (Protocollo IBBE n. 0000293 del 02/03/2012, Protocollo IBBE n. 0000291 del 01/03/2013, Protocollo IBBE n.0001553 del 28/08/14).
- Partecipazione al Progetto DICLIMAX. Documentazione di riferimento: Atto di conferimento incarico del contratto di prestazione d'opera in regime di collaborazione coordinata e continuativa (Protocollo IBBE-CNR n. 0001112 del 08/09/2016).
- Partecipazione al Progetto MIUR LAB. N. 8 "Laboratorio pubblico-privato di bioinformatica applicata alla genomica-DM1941C "laboratorio di Bioinformatica per la Biodiversità Molecolare". (Molecular Biodiversity Laboratory, MBLab) (01/09/2008 al 31/08/2011).

INCARICHI

- | | |
|---|---|
| • Date | 30 APRILE 2026 |
| • Nome e indirizzo del datore di lavoro | Istituto di Ricerca Genetica e Biomedica (IRGB) |
| • Principali mansioni e responsabilità | Membro del Gruppo di Lavoro, ai sensi dell'art. 114 del D.Lgs. 31 marzo 2023, n. 36, per l'affidamento del servizio di sequenziamento di DNA genomico umano (Whole Genome Sequencing) di circa 2400 soggetti nel contesto del progetto Regina (traiettoria POS T3 ministero salute) CUP B53C22002520006 CUI S80054110586202600011 |
| Riferimenti | Letta di incarico |
| • Date | 17 APRILE 2025- in corso |
| • Nome e indirizzo del datore di lavoro | Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM), CNR, Bari |
| • Principali mansioni e responsabilità | Co-Leader piattaforma OMICS dell'infrastruttura di ricerca ELIXIR-IT |
| Riferimenti | https://www.elixir-italy.org/how-we-work/platforms/omics/ |
| • Date | FEBBRAIO 2025- in corso |

Bari, 9/07/2026

Firma

7



• Nome e indirizzo del datore di lavoro • Principali mansioni e responsabilità Riferimenti	Consiglio Nazionale delle Ricerche, CNR Valutatore delle proposte progettuali nell'ambito dei bandi MiSE-FONDO per la CRESCITA SOSTENIBILE Protocollo n. 0056461 del 26/02/2025
• Date • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Principali mansioni e responsabilità Riferimenti	MARZO 2022- APRILE 2022- OTTOBRE 2022- FEBBRAIO 2023- MAGGIO 2023- FEBBRAIO 2025- DICEMBRE 2025 MARZO 2026 Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM), CNR, Bari Membro di commissioni giudicatrici per la valutazione comparativa nell'ambito di selezioni pubbliche finalizzate al conferimento di Assegni per la Collaborazione ad Attività di Ricerca e/o Borse di Ricerca Lettere di incarico
• Date • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Principali mansioni e responsabilità Riferimenti	15 FEBBRAIO 2022 ancora in corso Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM), CNR, Bari REFERENTE PROTEZIONE DATI personali IBIOM Notifica 0000148/2022
• Date • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Principali mansioni e responsabilità Riferimenti	22 FEBBRAIO 2021 ancora in corso Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM), CNR, Bari PREPOSTO ALLA SICUREZZA DELL'IBIOM per il laboratorio n. 13-19 al primo piano e per i laboratori n.24-25 al seminterrato del Dipartimento di Bioscienze, Biotecnologie e Biofarmaceutica nel palazzo dei dipartimenti biologici presso Campus E. Quagliariello Notifica 0000216/2021
• Date • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Principali mansioni e responsabilità Riferimenti	01 LUGLIO 2015 ancora in corso Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM), CNR, Bari SUPPORTO ALLA PROGETTAZIONE di un Sistema di gestione Qualità ispirato alle indicazioni delle Good Laboratories Practices (GLP) per il laboratorio di Biodiversità LifeWatch Protocolli IBBE n. 0001701 data 23/07/2015 e 0000885 del 8/07/2016
• Date • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Principali mansioni e responsabilità Riferimenti	APRILE 2016 ancora in corso Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie molecolari (IBIOM), CNR e Eusoft srl, Bari COLLABORAZIONE CON L'AZIENDA EUISOFT SRL finalizzata ad individuare temi di ricerca di interesse comune da candidare a finanziamenti nazionali e regionali Protocollo IBBE n. 0001485 del 31/07/2018
• Date • Nome e indirizzo del datore di lavoro • Principali mansioni e responsabilità	NOVEMBRE 2014 ancora in corso Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie molecolari (IBIOM), CNR, Bari TUTOR DI LABORATORIO nell'ambito del Dottorato di ricerca in Genomica e Proteomica funzionale e applicata curriculum in Biochimica, Biologia Molecolare e Bioinformatica, Dipartimento di Bioscienze, Biotecnologie e Biofarmaceutica, Università degli Studi di Bari, finalizzato alla formazione

Bari, 9/07/2026

Firma 8



	del dottorando, alla stesura delle tesi sperimentale ed al conseguimento del titolo di Dottore di Ricerca. Protocollo IBBE n. 0001593 del 31/08/2018
• Riferimenti	
• Date	18 MARZO 2018 AL 10 OTTOBRE 2018
• Nome e indirizzo del datore di lavoro	Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM), CNR, Bari
• Principali mansioni e responsabilità	TUTOR DI LABORATORIO nell'ambito dell'internato di ricerca annuale per il Corso di Laurea Magistrale in Biotecnologie Mediche e Medicina Molecolare, Università degli Studi di Bari, finalizzato alla formazione del tesista ed alla stesura della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare.
• Riferimenti	Protocollo IBBE n 0001595 del 31/08/2018
• Date	GENNAIO 2017 AL MAGGIO 2017
• Nome e indirizzo del datore di lavoro	Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM), CNR, Bari
• Principali mansioni e responsabilità	COLLABORAZIONE ALLA IDEAZIONE, PROGETTAZIONE E STESURA DI PROPOSTE PROGETTUALI candidate agli avvisi pubblici, POR Puglia FESR-FSE 2014-2020, denominati INNOLABS (progetto INNOMA) e INNONETWORK (progetto OMICS4FOOD), risultate ammissibili a finanziamento come da graduatorie definitive pubblicate sul Bollettino Ufficiale della Regione Puglia n. 9 del 18 gennaio 2018 e n° 120 del 19 ottobre 2017, rispettivamente
Riferimenti	Protocollo IBBE n 0001595 del 31/08/2018
• Date	MARZO 2012-MARZO 2013
• Nome e indirizzo del datore di lavoro	Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari (IBIOM), CNR, Bari
• Principali mansioni e responsabilità	TUTOR DI LABORATORIO nell'ambito dell'internato di ricerca annuale per il Corso di Laurea Magistrale in Biotecnologie Mediche e Medicina Molecolare, finalizzato alla formazione del tesista ed alla stesura della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare, per una durata complessiva di ore 800.
• Riferimenti	Protocollo IBBE n 0001594 del 31/08/2018

ORGANIZZAZIONE EVENTI (TERZA MISSIONE)

• Date	MARZO-APRILE 2026
• Luogo svolgimento	Scuole primarie e secondarie di I grado nell'ambito del Municipio1 di Bari
• Titolo dell'evento	Manifattura dei Saperi, promosso dall'Area di Ricerca di Bari
• Ruolo svolto	REFERENTE per l'attività laboratoriale proposta dall'IBIOM, CNR
Riferimenti	https://www.cnr.it/it/news/14158/scienza-per-la-citta-il-cnr-nelle-scuole-del-quartiere-liberta-a-bari
• Date	26 SETTEMBRE 2025
• Luogo svolgimento	Piazza Umberto, Bari
• Titolo dell'evento	Notte dei Ricercatori-progetto ERN-Apulia Marie Sklodowska-Curie
• Ruolo svolto	COLLABORAZIONE ALL'ORGANIZZAZIONE DELL'EVENTO ED ATTIVITA' DI SUPPORTO per l'attività laboratoriale proposta dall'IBIOM, CNR
Riferimenti	https://www.cnr.it/it/evento/19383
• Date	27 SETTEMBRE 2024
Bari, 9/07/2026	

Firma

9



• Luogo svolgimento • Titolo dell'evento • Ruolo svolto	Piazza Umberto, Bari Notte dei Ricercatori-progetto ERN-Apulie Marie Skłodowska-Curie COLLABORAZIONE ALL'ORGANIZZAZIONE DELL'EVENTO ED ATTIVITA' DI SUPPORTO per l'attività laboratoriale proposta dall'IBIOM, CNR
Riferimenti	https://www.cnr.it/it/evento/19383
• Date • Luogo svolgimento • Titolo dell'evento • Ruolo svolto	24-25 OTTOBRE 2023 Scuola primaria "Montello" e Istituto Comprensivo "De Amicis-Laterza-Monte San Michele", Bari CENTENARIO DEL CNR "Mettiamo Radici" DOCENTE PER ATTIVITÀ LABORATORIALE "ALLA SCOPERTA DEL DNA DEL SUOLO"
• Date • Luogo svolgimento • Titolo dell'evento • Ruolo svolto	29 SETTEMBRE 2023 Politecnico, Bari Notte dei Ricercatori-progetto ERN-Apulie Marie Skłodowska-Curie COLLABORAZIONE ALL'ORGANIZZAZIONE DELL'EVENTO ED ATTIVITA' DI SUPPORTO per l'iniziativa "L'essenziale invisibile agli occhi" proposta dall'IBIOM, CNR
Riferimenti	https://www.laricercaviendinotte.it/bari/lessenziale-e-invisibile-agli-occhi/
• Date • Luogo svolgimento • Titolo dell'evento • Ruolo svolto	27 SETTEMBRE 2019 Sala Murat, Bari Notte dei Ricercatori-progetto ERN-Apulie Marie Skłodowska-Curie COLLABORAZIONE ALL'ORGANIZZAZIONE DELL'EVENTO ED ATTIVITA' DI SUPPORTO per l'iniziativa "L'essenziale invisibile agli occhi" proposta dall'IBIOM, CNR
Riferimenti	https://www.laricercaviendinotte.it/bari/lessenziale-e-invisibile-agli-occhi/
• Date • Luogo svolgimento • Titolo dell'evento • Ruolo svolto • Riferimenti	12 NOVEMBRE 2018 Bari, Università degli Studi di Bari Analisi del microbioma: dalla progettazione alla pubblicazione SEGRETERIA ORGANIZZATIVA https://www.bmr-genomics.it/corsi_index.html
• Date • Luogo svolgimento • Titolo dell'evento • Ruolo svolto • Riferimenti	28 SETTEMBRE 2018 Bari, Università degli Studi di Bari Notte dei Ricercatori-progetto ERN-Apulie Marie Skłodowska-Curie COLLABORAZIONE ALL'ORGANIZZAZIONE DELL'EVENTO ED ATTIVITA' DI SUPPORTO per l'iniziativa "L'essenziale invisibile agli occhi" proposta dall'IBIOM, CNR Protocollo IBIOM n. 0002134 del 8/11/2018
• Date • Luogo svolgimento • Titolo dell'evento • Ruolo svolto • Riferimenti	25-26 OTTOBRE 2016 Roma, Italia Combined CHARME – EMBnet and NETTAB 2016 Workshop- Reproducibility, standards and SOP in bioinformatics ORGANIZATION COMMITTEE http://www.igst.it/nettab/2016/
• Date	12-14 OTTOBRE 2011 Bari, Università degli Studi di Bari
Bari, 9/07/2026	



- Luogo svolgimento
- Titolo dell'evento
- Ruolo svolto
- Riferimenti

Next Generation Sequencing Workshop Third Edition
WORKSHOP ASSISTANCE
http://www.caspur.it/workshop_NGS11

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

- Date

15 MARZO 2010

- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

Dipartimento di Scienze Animali, Vegetali e dell'Ambiente (S.A.V.A.), Facoltà di Agraria, Università degli Studi del Molise, Campobasso (CB). Borsista di ricerca presso l'Istituto di Scienze delle Produzioni Alimentari (ISPA) del Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR), Via Amendola 122/D, Bari.

Supervisor: Dott. Claudio Altomare, Dott. Angelo Visconti
 Coordinatore: Prof. Pasquale Trematerra
 Info: <http://www.ispa.cnr.it>; <http://www.unimol.it>

- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio

L'attività di ricerca e studio ha riguardato l'ottenimento di biotipi varianti del ceppo fungino antagonista *T. harzianum* ITEM 908, attraverso mutagenesi mediante irraggiamento con UV-C resistenti a metaboliti antifungini prodotti da *F. oxysporum*, allo scopo di migliorarne l'efficacia. La ricerca ha condotto all'identificazione di un nuovo potenziale agente di controllo biologico da applicare in campo al fine di migliorare la sicurezza e qualità di alcune colture di interesse agronomico.

- Qualifica conseguita

DOTTORE DI RICERCA IN DIFESA E QUALITÀ DELLE PRODUZIONI AGRO-ALIMENTARI E FORESTALI (XXI Ciclo) – Settore scientifico disciplinare AGR/12: Patologia vegetale.

- Date

NOVEMBRE 2005

- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

Università degli Studi di Bari Aldo Moro

- Qualifica conseguita

ABILITAZIONE ALLA PROFESSIONE DI BIOLOGO
Iscrizione Albo professionale dei Biologi, Sede di Roma,
 Numero Iscrizione 057057

- Date

ANNO ACCADEMICO 2005–2006

- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

Dipartimento di Fisiologia Generale ed Ambientale, Facoltà di SS.MM.FF.NN., Università degli Studi di Bari Aldo Moro, via Orabona, Bari
 Referenti: prof. Claudio Lippe, Prof. Giuseppe Calamita
 Info: <http://www.biologia.uniba.it/dfga/didattica/index.html>

- Qualifica conseguita

PERFEZIONAMENTO in BIOLOGIA DELLA NUTRIZIONE

- Date

OTTOBRE 1999 – LUGLIO 2005

- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione

Università degli Studi di Bari Aldo Moro, via Orabona, Bari
 Relatori: Prof. Ferdinando Palmieri, Prof. Giuseppe Paradies
 Info: <http://www.scienze.uniba.it>

- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio

Tesi sperimentale in Chimica Biologica dal titolo: "Caratterizzazione funzionale del promotore del gene umano del carrier del Citrato" – Votazione conseguita 109/110.

- Qualifica conseguita

LAUREA IN SCIENZE BIOLOGICHE, INDIRIZZO FISIOPATOLOGICO

- Date

SETTEMBRE 2004 – LUGLIO 2005

Bari, 9/07/2026

Firma

11



• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione	Dipartimento Farmaco Biologico, Sezione Trasportatori Mitocondriali, Facoltà di Farmacia, Università degli Studi di Bari Aldo Moro, via Orabona, Bari. Referenti: Prof. Ferdinando Palmieri, Prof. Vito Iacobazzi Info: http://www.farmbiol.uniba.it
• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio	L'attività di ricerca si è basata sullo studio dell'espressione genica e regolazione dell'attività trascrizionale del gene umano del carrier del citrato (CIC), un carrier mitocondriale coinvolto nella biosintesi degli acidi grassi e steroli.
• Qualifica conseguita	TIROCINIO DI RICERCA della durata di 12 mesi
• Date	SETTEMBRE 1994 – LUGLIO 1999
• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione	Liceo Scientifico A. Scacchi, C.so Cavour 241 – 70121 Bari
• Qualifica conseguita	MATURITA' SCIENTIFICA votazione conseguita 100/100

DESCRIZIONE DELL'ATTIVITA' DI RICERCA E COMPETENZE TECNICHE ACQUISITE

2008-ad oggi

Obiettivo della ricerca:

Caratterizzazione tassonomica e funzionale del microbioma residente in campioni clinici (es. feci, mucosa intestinale, endometrio ed ovaio), ambientali (es. acque, suoli, sedimenti, alghe marine) ed agroalimentari (es. prodotti intermedi di filiere fermentative), basata su approcci metagenomici con tecnologie di sequenziamento ad alta processività e strumenti bioinformatici avanzati. Applicazioni genomiche e trascrittomiche nell'ambito della ricerca biomedica. Inoltre, svolge anche attività di supporto alla progettazione di un Sistema di Quality Management System (QMS), ispirato alle indicazioni delle Good Laboratories Practices (GLP), per il laboratorio di Biodiversità LifeWatch (MoBiLab).

Competenze tecniche acquisite: Applicazione di tecniche di biologia molecolare e di tools bioinformatici per l'analisi dei dati. Di seguito, le specifiche. Messa a punto ed ottimizzazione di pre-trattamenti ad *hoc* per diverse matrici biologiche finalizzati all'estrazione contemporanea di funghi e batteri con resa elevata. Estrazione di DNA genomico a partire da matrici biologiche complesse quali acqua di lavaggio grappoli di uva, mosto in diverse fasi della fermentazione, suolo, sabbia, paglia, campioni clinici (feci, sangue intero, plasma, contenuto cecale, mucosa intestinale). Dosaggio spettrofotometrico acidi nucleici ed elettroforesi su gel di agarosio. Dosaggio fluorimetrico degli acidi nucleici mediante il kit PicoGreen. Elettroforesi capillare mediante BioAnalyzer. Selezione e disegno di set di primer per marcatori molecolari che amplifichino selettivamente regioni target, significative dal punto di vista tassonomico e per lo studio della biodiversità molecolare, quali ad esempio ITS1, ITS2, 16S rRNA, 18S rRNA e *cox1*. PCR (Polimerase Chain Reaction) e Nested-PCR con l'impiego di taq ad alta fedeltà come la polimerasi *phusion*. Preparazione delle librerie di ampliconi per il sequenziamento massivo mediante l'utilizzo di piattaforme di seconda (Illumina) e terza generazione (PacBio, Nanopore). Applicazione di tools bioinformatici e statistici, tra cui QIIME1, LefSe e la pipeline BioMaS, per l'analisi tassonomica dei dati metagenomici ottenuti dal sequenziamento mediante piattaforme NGS.

2005-2008

Obiettivo della ricerca: ottenimento di biotipi varianti del ceppo antagonista *Trichoderma harzianum* ITEM 908, attraverso mutagenesi mediante irraggiamento con UV-C resistenti a metaboliti antifungini prodotti da *Fusarium oxysporum*, allo scopo di migliorarne l'efficacia come agente di biocontrollo.

Competenze tecniche acquisite: Applicazione di tecniche di biologia molecolare e microbiologia. Nello specifico, Estrazione di DNA genomico a partire da micelio fresco o liofilizzato; caratterizzazione molecolare di isolati di *Trichoderma* per le

Bari, 9/07/2026



regioni intergeniche ITS1 –ITS2 dell'rDNA fungino e di una porzione interna del gene TEF 1-alpha. Screening di isolati di *Trichoderma* per la presenza e l'espressione nel genoma di regioni geniche omologhe al gene *tri5*, codificante la trichodiene sintasi. Purificazione di ampliconi da gel di agarosio. Estrazione di RNA, dosaggio RNA, RT-PCR, amplificazione del trascrittoma finalizzato allo studio di espressione semi quantitativo di geni coinvolti nella Multi Drug Resistance di *T. harzianum*. Sequenziamento del DNA e analisi di sequenze nucleotidiche e aminoacidiche mediante programmi di bioinformatica disponibili in rete [NCBI Blast, CAP assembler, Clustal W, CLC Sequence Viewer, U-Genes software]. Uso della mutagenesi UV-C per il miglioramento dell'attività antagonista di isolati di *Trichoderma*. Controllo biologico di agenti fitopatogeni e studio dei meccanismi d'azione degli agenti di biocontrollo, con particolare riferimento a *Trichoderma* spp. e alla produzione di metaboliti con attività antifungina. Saggi di attività antagonista di *Trichoderma* in vitro e in vivo. Estrazione di metaboliti secondari bioattivi da colture su substrati liquidi e solidi di *Fusarium* e *Trichoderma*. Microscopia ottica. Saggi di attività antifungina di estratti colturali.

2004-2005

Obiettivo della ricerca: studio dell'espressione genica e regolazione dell'attività trascrizionale del gene umano del carrier del citrato (CIC), un carrier mitocondriale coinvolto nella biosintesi degli acidi grassi e steroli.

Competenze tecniche acquisite: Caratterizzazione funzionale di regioni di regolazione dei carriers mitocondriali attraverso delezioni, con particolare riferimento al carrier del citrato, Creazione di costrutti, mediante clonaggio di frammenti di DNA in vettore plasmidico PGL3. Estrazione DNA plasmidico. Analisi di sequenze mediante il programma TFSEARCH per ricerca di potenziali siti di binding per fattori trascrizionali. PCR e sequenziamento del DNA (cloni plasmidici). Elettroforesi su gel di agarosio e di acrilamide. Western Blot. Studio del binding di fattori trascrizionali nella regione di regolazione del gene mediante esperimenti di gel shift.

WORKSHOP E APPROFONDIMENTI

14-17 Luglio 2020: Software Carpentry Workshop - R for Reproducible Scientific Analysis. Elixir IT Training.
<https://elixir-iib-training.github.io/website/>

28 Gennaio 2020: Convegno *Log@Ritmi* la provocazione della Scienza, presso Liceo Scientifico "G. Salvemini" di Bari. Talk intitolato "L'essenziale è invisibile agli occhi: l'impatto del microbioma sull'uomo e sull'ambiente"-MarzanoM.

12 Novembre 2018: "Analisi del microbioma: dalla progettazione alla pubblicazione", organizzato da BMR Genomics srl presso Università degli Studi di Bari, Aula Magna Palazzo, Dipartimenti Biologici c/o Campus Universitario "Ernesto Quagliariello" Via Orabona, 4 70126 Bari
Info: <https://www.bmr-genomics.it>

12-13 Ottobre 2018: "1° Congresso Nazionale Nutrigenomica e Alimentazione", organizzato dal CNR-ITB, presso Palace Hotel, Bari
Info: <https://www.itb.cnr.it>;

26-30 Settembre 2016: "Python for Life Scientists", presso Facoltà di Scienze Biotecnologiche, Università di Bari, Bari
Info: <http://elixir-italy.org>;

25 Novembre 2014: "Next generation technology tour: from Ion Torrent to qPCR and digital PCR", presso sala seminari IRCCS Giovanni Paolo II, Bari
Info: <https://www.lifetechnologies.com/>;

17-19 Aprile 2013: "NGS and non-coding RNA Data Analysis", COST workshop, Bari.

Bari, 9/07/2026

Firma

13



Info: <http://www.seqahead.it/cost-bari-2013/>;

05-07 Dicembre 2012: "Next Generation Sequencing and Epigenomics Workshop", presso Palazzo Ateneo, Università degli Studi di Bari "Aldo Moro", Bari.

Info: http://mi.caspur.it/workshop_NGS12/;

01 Giugno 2012: Seminario dal titolo "Empowering New Discoveries through Next-Generation Sequencing" presso l'Università degli Studi di Bari, Bari.

Info: <http://www.illumina.com/>;

16 Dicembre 2011: Seminario dal titolo "Illumina NGS System: La Next Generation Sequencing è ora per tutti" presso Facoltà di Scienze Biotecnologiche dell'Università degli Studi di Bari, Bari.

Info: <http://www.illumina.com/>;

12-14 Ottobre 2011: "Workshop on Next Generation Sequencing", terza edizione, presso Palazzo Ateneo, Università degli Studi di Bari "Aldo Moro", Bari.

Info: mi.caspur.it/workshop_NGS10/;

3-4 Marzo 2011: "2° Incontro Utilizzatori Italiani della Tecnologia 454 Roche", presso Istituto di Tecnologie Biomediche (ITB)-CNR, sede di Bari.

Info: <http://www.ba.itb.cnr.it/>;

14 Aprile 2010: Tutorial in "Phylogenetic analysis based on mixed models performed on the LIBI platform powered by HPC facility high performance computing facilities" e Tutorial in "Metagenomics and metadata analysis", VII Annual General Meeting of Italian Society of Bioinformatics (BITS).

Info: <http://www.bioinformatics.it/>;

19-20 Novembre 2010: Corso dal titolo "Nutrizione al Femminile", promosso da A.I.Nu.C. (Accademia di Nutrizione Clinica Internazionale - Roma); presso Hotel Excelsior, Via G. Petroni, Bari- Totale ore:16

Info: <http://www.ainuc.it>

16-17 Marzo 2010: Corso dal titolo 'Tecniche di proteomica microbica: aspetti teorici ed applicativi', promosso dalla Fondazione per le Biotecnologie, presso Bioindustry Park del Canavese, Colleretto Giacosa, Torino - Totale ore: 16

Info: <http://www.fobiotech.org>

13-14 Aprile 2007: Corso dal titolo 'Il ruolo della fibra e degli integratori nella dieta', promosso da ABNI [Associazione Biologi Nutrizionisti Italiani], presso Università degli Studi di Bari - Totale ore: 8

Info: <http://www.abni.it>

13 Novembre-18 Dicembre 2007: Corso teorico-pratico in 'Statistica di base: applicazioni Biomediche', promosso da ABAP [Associazione Biologi Ambientalisti Pugliesi] - Totale ore: 24

Formatec, Via Papa Giovanni Paolo I, 10/F/G/H, Bari

Info: <http://www.infoabap.it>

21-22 Dicembre 2006: Corso teorico-pratico dal titolo 'Nuove tecniche di biologia molecolare per indagini ambientali', promosso da ARPA Puglia [Agenzia Regionale Protezione Ambiente], presso Villa Framarino, viale Europa, Bari - Totale ore: 14

Info: <http://www.arpa.puglia.it>

25-26 Settembre 2006: Corso teorico-pratico 'Bioinformatica livello base', presso Fondazione per le Biotecnologie, viale Settimo Severo 63, Torino - Totale ore: 14

Info: <http://www.fobiotech.org>

9-10 Ottobre 2006: Corso teorico-pratico 'Bioinformatica livello avanzato', presso Fondazione per le Biotecnologie, viale Settimo Severo 63, Torino - Totale ore: 14

Info: <http://www.fobiotech.org>

Bari, 9/07/2026



**PUBBLICAZIONI SU RIVISTE
INTERNAZIONALI**

- Visci G, Notario E, Defazio G, Caratozzolo MF, Cox SN, Fosso B, Marzano M, Pesole G. Benchmarking short- and long-read sequencing technologies for metagenomic profiling of microbiomes. SCIENTIFIC REPORTS, ISSN: 2045-2322, doi: <https://doi.org/10.1038/s41598-026-49725-3>
- Maria Stefania Latrofa, Ilenia Urso, Elisabetta Notario, Carmela Gissi, Carla Maia, Marinella Marzano, Graziano Pesole, Domenico Otranto (2026). Nuclear, mitochondrial, and Wolbachia endosymbiont genomes of *Onchocerca lupi*, Portugal. MSPHERE, vol. 11, p. 1-18, ISSN: 2379-5042, doi: 10.1128/msphere.00625-25
- Mrenoshki S., Temerario L., Mastrorocco A., Visci G., Notario E., Marzano M., Martino N. A., Mrenoshki D., Lacalandra G. M., Pesole G., Dell'Aquila M. E. (2025). Taxonomic Profile of Cultivable Microbiota from Adult Sheep Follicular Fluid and Its Effects on In Vitro Development of Prepubertal Lamb Oocytes. ANIMALS, vol. 15, ISSN: 2076-2615, doi: 10.3390/ani15131951
- Benedetta De Ponte Conti, Rebecca Marino, Tanja Rezzonico Jost, Mattia Forcato, Davide Mangani, Elisabetta Notario, Giorgio Gargari, Elena Carelli, Andrea Rinaldi, Andrea Raimondi, Simone Moro, Marinella Marzano, Grazia Visci, Lisa Perruzza, Matteo Raneri, Denise Dallavalle, Giacomo Mantegazza, Ludovica Montani, Francesco Prisco, Roshan Takur, Jens Geginat, Frauke Seehusen, Samuele Notarbartolo, Graziano Pesole, Silvio Bicciato, Simone Guglielmetti, Fabio Grassi (2025). Secretory IgA amplification during immune checkpoint blockade enhances the control of tumor growth by enterotropic T cells. SCIENCE ADVANCES, vol. 11, ISSN: 2375-2548, doi: 10.1126/sciadv.aeb5308
- Leoni, Claudia, Vinci, Lorenzo, Marzano, Marinella, D'Erchia, Anna Maria, Dellino, Miriam, Cox, Sharon Natasha, Vitagliano, Amerigo, Visci, Grazia, Notario, Elisabetta, Filomena, Ermes, Cicinelli, Ettore, Pesole, Graziano, Ceci, Luigi Ruggiero (2024). Endometrial Cancer: A Pilot Study of the Tissue Microbiota. MICROORGANISMS, vol. 12, ISSN: 2076-2607, doi: 10.3390/microorganisms12061090
- Marina Tumolo, Carlo Salerno, Caterina Manzari, Pompilio Vergine, Marinella Marzano, Elisabetta Notario, Giovanni Berardi, Elisabetta Piancone, Graziano Pesole, Alfieri Pollice. Linking feed, biodiversity, and filtration performance in a Self-Forming Dynamic Membrane BioReactor (SFD MBR) treating canning wastewater. Journal of Water Process Engineering. 2024. <https://doi.org/10.1016/j.jwpe.2024.106031>
- Leoni, C.; Vinci, L.; Marzano, M.; D'Erchia, A.M.; Dellino, M.; Cox, S.N.; Vitagliano, A.; Visci, G.; Notario, E.; Filomena, E.; et al. Endometrial Cancer: A Pilot Study of the Tissue Microbiota. Microorganisms 2024, 12, 1090. <https://doi.org/10.3390/microorganisms12061090>
- Notario, E.; Visci, G.; Fosso, B.; Gissi, C.; Tanaskovic, N.; Rescigno, M.; Marzano, M.; Pesole, G. Amplicon-Based Microbiome Profiling: From Second- to Third-Generation Sequencing for Higher Taxonomic Resolution. Genes 2023, 14, 1567. <https://doi.org/10.3390/genes14081567>
- Lazic Tamara; Fosso Bruno; Balech Bachir; Corriero Giuseppe; Gristina Michele; Marzano Marinella, Graziano Pesole, Santamaria Monica, Pierri Cataldo Hippocampus guttulatus diet based on DNA metabarcoding. Frontiers in Marine Science; Lausanne(Mar 17, 2023). DOI:10.3389/fmars.2023.1138279.
- Calasso M, Marzano M., Caponio G.R., Celano G., Fosso B., Calabrese F.M., De Palma D., Vacca M., Notario E., Pesole G., De Angelis M., De Leo F., Shelf-life extension of leavened bakery products by using bio-protective cultures and type-III sourdough, 2023, LWT, 177:114587, ISSN 0023-6438, <https://doi.org/10.1016/j.lwt.2023.114587>.
- Piancone E, Fosso B, Marzano M, De Robertis M, Notario E, Oranger A, Manzari C, Bruno S, Visci G, Defazio G, D'ErchiaAM, Filomena E, Maio D, Minelli M, Vergallo I, Minelli M, Pesole G (2022). Natural and after colon washing fecal samples: the two sides of the coin for investigating the human



- Marzano M, Calasso M, Caponio GR, Celano G, Fosso B, De Palma D, Vacca M, Notario E, Pesole G, De Leo F and De Angelis M (2022). Extension of the shelf-life of fresh pasta using modified atmosphere packaging and bioprotective cultures.. FRONTIERS IN MICROBIOLOGY, ISSN: 1664-302X
- Krieg C, Weber LM, Fosso B, Marzano M., Hardiman G., M Olcina M., Domingo E., El Aidy S., Mallah K., D Robinson M., Guglietta S. Complement downregulation promotes an inflammatory signature that renders colorectal cancer susceptible to immunotherapy. Journal for ImmunoTherapy of Cancer 2022;10:e004717. doi:10.1136/jitc-2022-004717
- Marzano M, Bruno Fosso, C. Colliva, E. Notario, D. Passeri, M. Intranuovo, A. Gioiello, L. Adorini, G. Pesole, R. Pellicciari, A. Moschetta, R.M. Gadaleta. Farnesoid X receptor activation by the novel agonist TC-100 (3 α , 7 α , 11 β -Trihydroxy-6 α -ethyl-5 β -cholan-24-oic Acid) preserves the intestinal barrier integrity and promotes intestinal microbial reshaping in a mouse model of obstructed bile acid flow, Biomedicine & Pharmacotherapy, Volume 153, 2022, 113380, ISSN 0753-3322, https://doi.org/10.1016/j.biopha.2022.113380.
- Bachir Balech, Anna Sandionigi, Marinella Marzano, Graziano Pesole, Monica Santamaria, MetaCOXI: an integrated collection of metazoan mitochondrial cytochrome oxidase subunit-I DNA sequences, Database, Volume 2022, January 2022, baab084, https://doi.org/10.1093/database/baab084
- Benredjem L, Berredjem H, Abdi A, Casero MC, Quesada A, Fosso B, Marzano M, Pesole G, Azevedo J, Vasconcelos V. Morphological, molecular, and biochemical study of cyanobacteria from a eutrophic Algerian reservoir (Cheffia). Environ Sci Pollut Res Int. 2022 Jan 4. doi: 10.1007/s11356-021-17528-w. Epub ahead of print. PMID: 34984616.
- Lazic, T.; Pierri, C.; Corriero, G.; Balech, B.; Cardone, F.; Deflorio, M.; Fosso, B.; Gissi, C.; Marzano, M.; Nonnis Marzano, F.; et al. Evaluating the Efficiency of DNA Metabarcoding to Analyze the Diet of Hippocampus Guttulatus (Teleostea: Syngnathidae). 2021, 11, 998. https://doi.org/10.3390/life11100998
- Marzano, M.; Fosso, B.; Piancone, E.; Defazio, G.; Pesole, G.; De Robertis, M. Stem Cell Impairment at the Host-Microbiota Interface in Colorectal Cancer. Cancers 2021, 13, 996. https://doi.org/10.3390/cancers13050996
- Carsten Krieg, Sara Carloni, LukasM. Weber, Bruno Fosso, Gary Hardiman, Erika Mileti, Sahar El Aidy, Marinella Marzano, Graziano Pesole, Francesco Asnicar, Nicola Segata, MarkD. Robinson, Silvia Guglietta. bioRxiv 2021.01.18.426963; doi: https://doi.org/10.1101/2021.01.18.426963
- Serrano D, Pozzi C, Guglietta S, Fosso B, Suppa M, Gnagnarella P, Corso F, Bellerba F, Macis D, Aristarco V, Manghi P, Segata N, Trovato C, Zampino MG, Marzano M, Bonanni B, Rescigno M, Gandini S. Microbiome as Mediator of Diet on Colorectal Cancer Risk: The Role of Vitamin D, Markers of Inflammation and Adipokines. Nutrients. 2021; 13(2):363. https://doi.org/10.3390/nu13020363
- Stabili L, Rizzo L, Basso L, Marzano M, Fosso B, Pesole G, Piraino S. The Microbial Community Associated with *Rhizostoma pulmo*: Ecological Significance and Potential Consequences for Marine Organisms and Human Health. Marine Drugs. 2020; 18(9):437; https://doi.org/10.3390/md18090437.
- Tamara Lazic, Cataldo Pierri, Frine Cardone, Alessia Cariani, Paolo Colangelo, Giuseppe Corriero, Alice Ferrari, Marinella Marzano, Silvia Messinetti, Graziano Pesole, Gabriele Senczuk, Monica Santamaria, Fausto Tinti, Michele Gristina. Genetic structure of the long-snouted seahorse, *Hippocampus guttulatus*, in the Central–Western Mediterranean Sea, *Biological Journal of the Linnean Society*. 2020; 130(4): 771-782; https://doi.org/10.1093/biolinnean/blaa074.
- Martínez, A., Eckert, E.M., Artois, T. Giovanni Careddu, Marco Casu, Marco Curini-Galletti, Vittorio



Gazale, Stefan Gobert, Viatcheslav N. Ivanenko, Ulf Jondelius, Marinella Marzano, Graziano Pesole, Aldo Zanello, M. Antonio Todaro & Diego Fontaneto. Human access impacts biodiversity of microscopic animals in sandy beaches. *Commun Biol* 3, 175 (2020). <https://doi.org/10.1038/s42003-020-0912-6>.

- Zagato E, Pozzi C, Bertocchi A, Schioppa T, Saccheri F, Guglietta S, Fosso B, Melocchi L, Nizzoli G, Troisi J, Marzano M, Oresta B, Spadoni I, Atarashi K, Carloni S, Arioli S, Fornasa G, Asnicar F, Segata N, Guglielmetti S, Honda K, Pesole G, Vermi W, Penna G, Rescigno M. 2020. Endogenous murine microbiota member *Faecalibaculum rodentium* and its human homologue protect from intestinal tumour growth. *Nat Microbiol*. 5(3):511-524. doi: 10.1038/s41564-019-0649-5.
- Basso L, Rizzo L, Marzano M, Intranuovo M, Fosso B, Pesole G, Piraino S, Stabili L. 2019. Jellyfish summer outbreaks as bacterial vectors and potential hazards for marine animals and humans health? The case of *Rhizostoma pulmo* (Scyphozoa, Cnidaria). *Sci Total Environ*. 692:305-318. doi: 10.1016/j.scitotenv.2019.07.155.
- Lanati A, Marzano M, Manzari C, Pesole G, Fosso B, De Leo F. 2019. (Lanati A and Marzano M have contributed equally to this work). Management at the service of research: ReOmicS, a quality management system for omics sciences. *Palgrave Communications*. 5:75. doi: <https://doi.org/10.1057/s41599-019-0283-0>.
- Lavecchia A, Chiara M, Manzari C, Trotta M, Marzano M, Horner D, Pesole G, Placido A. 2018. Draft genome sequences of three novel *Staphylococcus arlettae* strains isolated from a disused biological safety cabinet. *Microbiol Resour Announc* 7:e01012- 18. <https://doi.org/10.1128/MRA.01012-18>.
- Marzano M, Fosso B, Manzari C, Grieco F, Intranuovo M, Cozzi G, Mulè G, Scioscia G, Valiente G, Tullo A, Sbisà E, Pesole G, Santamaria M. Complexity and Dynamics of the Winemaking Bacterial Communities in Berries, Musts, and Wines from Apulian Grape Cultivars through Time and Space. *PLoS One*. 2016 Jun 14;11(6):e0157383. doi: 10.1371/journal.pone.0157383. eCollection 2016. PubMedPMID: 27299312.
- Fransen F, Zagato E, Mazzini E, Fosso B, Manzari C, El Aidy S, Chiavelli A, D'Erchia AM, K. Sethi M K, Pabst O, Marzano M, Moretti S, Romani L, Penna G, Pesole G, Rescigno M. 2015. BALB/c and C57BL/6 mice differ in polyreactive IgA abundance and this impacts on the generation of antigen-specific IgA and microbiota diversity. *Immunity*. 43(3): 527-540.
- Fosso B, Santamaria M, Marzano M, Alonso-Aleman D, Valiente G, Donvito G, Monaco A, Notarangelo P, Pesole G. 2015. BioMaS: a modular pipeline for Bioinformatic analysis of Metagenomic AmpliconS. *BMC Bioinformatics*. 16:203. doi:10.1186/s12859-015-0595-z. PubMed PMID: 26130132; PubMed Central PMCID:PMC4486701.
- Manzari C., Fosso B., Marzano M., Annese A., Caprioli R., D'Erchia A. M., Gissi C., Intranuovo M., Picardi E., Santamaria M., Scorrano S., Sgaramella G., Stabili L., Piraino S., Pesole G. (Caterina Manzari C, Fosso B and Marzano M have contributed equally to this work). 2015. The influence of invasive jellyfish blooms on the aquatic microbiome in a coastal lagoon (Varano, SE Italy) detected by an Illumina-based deep sequencing strategy. *Biol Invasions*. DOI 10.1007/s10530-014-0810-2.
- Marzano M., Gallo A., Altomare C. 2013. Improvement of biocontrol efficacy of *Trichoderma harzianum* vs. *Fusarium oxysporum* f. sp. *lycopersici* through UV-induced tolerance to fusaric acid. *Biological control*; 67(3): 397-408.
- Santamaria M., Fosso B., Consiglio A., De Caro G., Grillo G., Licciulli F., Liuni S., Marzano M., Alonso-Aleman D., Valiente G., Pesole G. 2012. Reference databases for taxonomic assignment in metagenomics. *Brief Bioinform.* ;13(6):682-95. doi: 10.1093/bib/bbs036.

**CAPITOLI DI LIBRI E PROCEEDINGS IN ATTI DI
CONGRESSO DOTATI DI ISBN o ISSN**

- Claudia Leoni, Marinella Marzano, Ermes Filomena, and Anna Maria D'Erchia (2026). Digital Droplet PCR (ddPCR) for Absolute Quantification of 16S rRNA Copy Number in Metagenomic Data. In: Guillaume Pavlovic Editor. Digital Droplet PCR (ddPCR) for Absolute Quantification of 16S rRNA
Bari, 9/07/2026

Firma 17



Copy Number in Metagenomic Data. vol. 2969, p. 235-247, Guillaume Pavlovic Editor, doi: 10.1007/978-1-0716-4767-7_14

- De Leo F., Marzano M., Manzari C. 2018. GLP as a Reference for Non-regulated Research. Lanati A. (eds.) Quality Management in Scientific Research-Challenging Irreproducibility of Scientific Results, 4.6.3: 99-102, DOI 10.1007/978-3-319-76750-5;
- Marzano M., Manzari C, Filannino D, Pizzi R, D'Erchia AM, Lionetti C, Picardi E, Sgaramella G, Pesole G, Lanati A, De Leo F. (2017) Good laboratory practices and L.I.M.S. system: the challenge for a Next Generation Sequencing and bioinformatic research laboratory. PeerJ Preprints 5:e2752v1 <https://doi.org/10.7287/peerj.preprints.2752v1>;
- Fosso B., Marzano M., Santamaria M. 2015. e-DNA Meta-Barcoding: From NGS Raw Data to Taxonomic Profiling. Ernesto Picardi (ed.), RNA Bioinformatics, Methods in Molecular Biology, vol. 1269: 257-78, doi 10.1007/978-1-4939-2291-8_16.

ABSTRACT IN ATTI DI CONVEGNO

09-10 Febbraio 2026- ELIXIR-IT All Hands Meeting (AHM) 2026, Bari
Accepted abstract for Oral session: Strengthening the ELIXIR-IT Omics Infrastructure
Speaker: Marinella Marzano

22-25 Giugno 2024 - 10TH INTERNATIONAL HUMAN MICROBIOME CONSORTIUM CONGRESS, Roma:

- SHORT READS vs LONG READS FOR WHOLE GENOME SHOTGUN METAGENOMIC APPLICATION

G. Visci, E. Notario, B. Fosso, M. Marzano, G. Pesole

Speaker: Elisabetta Notario

- Combined effect of fat diet and colorectal carcinogenesis on the modulation of gut GLICOBIOTIC and alteration of the circulating microbiota

M. De Robertis, S. Perrelli, P. Gena, E. Notario, D. Mentino, D. Semeraro, M. Marzano, B. Fosso, G. Visci, C. Buccoliero, G. Scillitani, M. Mastrodonato, E. Signori, G. Calamita, G. Pesole

Speaker: Sonia Perrelli

- ENDOMETRIAL CANCER: A PILOT STUDY OF THE TISSUE MICROBIOTA.

C. Leoni, L. Vinci, M. Marzano, A.M. D'Erchia, M. Dellino, A. Vitagliano, G. Visci, E. Notario, E. Filomena, E. Cicinelli, L. R. Ceci and G. Pesole.

Speaker: Claudia Leoni

23 Giugno 2023 - Società Italiana di Riproduzione Animale about "Cultivation and identification of microbiota in sheep follicular fluid", 76° convegno SISVET, Accepted Abstract: "Cultivation and identification of microbiota in sheep follicular fluid" – Abstract proposed for Società Italiana di Riproduzione Animale (SIRA)."

Slavcho Mrenoshki, Grazia Visci, Elisabetta Notario, Marinella Marzano, Nicola Antonio Martino, Antonella Mastroianni, Letizia Temerario, Marialaura Corrente, Daniela Mrenoshki, Giovanni Michele Lacalandra, Graziano Pesole, Maria Elena Dell'Aquila.

Speaker: Slavcho Mrenoshki

31 Maggio 2023 - Workshop "Microbiota tra mito e realtà", CNR, Roma

Presentazione dei dati presenti nel lavoro "Amplicon-Based Microbiome Profiling: From Second- to Third-Generation Sequencing for Higher Taxonomic Resolution" - Notario, E.; Visci, G.; Fosso, B.; Gissi, C.; Tanaskovic, N.; Rescigno, M.; Marzano, M.; Pesole, G.

Speaker: Bruno Fosso



30 Maggio 2023 - Roadshow PacBio, "Microbiome analysis in the long-reads era", Milano.
Presentazione dei dati presenti nel lavoro "Amplicon-Based Microbiome Profiling: From Second- to Third-Generation Sequencing for Higher Taxonomic Resolution"- Notario, E.; Visci, G.; Fosso, B.; Gissi, C.; Tanaskovic, N.; Rescigno, M.; Marzano, M.; Pesole, G.
Speaker: Bruno Fosso

24 Settembre 2022 - convegno su IL CARCINOMA DELL'ENDOMETRIO, LA CENTRALIZZAZIONE DELLE CURE NELL'ERA DELLE TECNICHE MINI-INVASIVE, DEEP LEARNING, ROBOTICA E BIOLOGIA MOLECOLARE, Bari.
Lecture of "Microbiota Dysbiosis in Endometrial Malignancies"
Speaker: Claudia Leoni

5-7 October 2020, IMEKO TC-19 Metrology for the Sea,
Tamara Lazic, Giuseppe Corriero, Bachir Balech, Frine Cardone, Michele Deflorio, Bruno Fosso, Carmela Gissi, Marinella Marzano, Graziano Pesole, Monica Santamaria, Michele Gristina, Cataldo Pierri. What goes in, must come out: Evaluation of the DNA metabarcoding approach to analyse diet of threatened seahorses.

25-28/09/2018 - 79° Congresso della Societa' italiana di Zoologia (UZI), Lecce
Lazic T., Pierri C, Ape F., Balech B., Cardone F., Carbonara P., Cariani A., De Filippis T., Ferrari A., Gristina M., Marzano M., Mirto S., Pesole G., Santamaria M., Corriero. Assessing conservation status of the mediterranean seahorses: distribution, populations' consistency, habitat choice and diet preferences.

16-20 September 2016, 17th International Conference on System Biology., Barcelona
Alberich R, Fosso B, Llabrés M, Marzano M., Palmer P, Santamaria M, Pesole G, Rosselló F, Valiente G. Systems Biology of the Wine Fermentation Process.

27-29 April 2016- 2nd European QA Conference, Nice
Marzano M., Manzari C., Sgaramella G., Pesole G., De Leo F and Lanati A. 2016. Quality management in a Next Generation Sequencing laboratory.

31 July - 5 August 2016 - SIL 2016, Turin, Italy
Santamaria M, Manzari C, Lionetti C, Marzano M., Fosso B, Balech B, De Filippis T, Sgaramella G, D'Erchia AM, Gissi C and Pesole G. NGS Revolution: high-throughput exploration of biodiversity with molecular tools.

27-29 April 2016 - 2nd European QA Conference, Nice
Marzano M., Manzari C., Sgaramella G., Pesole G., De Leo F and Lanati A. 2016. Quality management in a Next Generation Sequencing laboratory.

25-26 June 2015 - Human Gut Microbiome and Disease Congress, Milan
Francavilla A, Marzano M., Favoino E, D'Erchia AM, Fosso B, Intranuovo M, Lovero D, Manzari C, Notarnicola M, Polimeno L, Santamaria M, Pesole G. Effect of n3-polyunsaturated fatty acids (PUFA) and Orlistat on Colorectal Cancer (CRC)-associated microbiome.

3-5 June 2015 - BITS annual meeting 2015, Milan
Fosso B, Santamaria M, Marzano M., Donvito G, Monaco A, Notarangelo P, Maggi GP, Pesole G. BioMaS: a modular pipeline for Bioinformatic analysis of Metagenomic AmpliconS.

31 March - 2 April, 2015 - 5th International Human Microbiome Congress, Future directions for human microbiome research in health and disease, Luxembourg
Fosso B, Santamaria M, Marzano M, Donvito G, Monaco A, Notarangelo P, Maggi GP, Pesole G. BioMaS: a friendly web service for an accurate taxonomic assessment of microbiomes through target-oriented metagenomics.

19 Dicembre 2014 - BiP-Day 2014, Bari
Fosso B., Santamaria M., Marzano M., Donvito G., Monaco A., Notarangelo P., Maggi G.P., Pesole G. BioMaS: a friendly web service for improved taxonomic assessment of microbiomes.

Bari, 9/07/2026

Firma

19



1-3 Maggio 2014 - 7th International Immunonutrition workshop "Eating for preventing", Carovigno (Br).
Santamaria M., Fosso B., Manzari C., Marzano M., Valletti A., Aiello I., Annese A., Balech B., Pousis V.,
Picardi E., D'Erchia A., Pesole G. Analysis of the gut microbiome through a novel Illumina MiSeq
sequencing-based strategy and ad hoc developed bioinformatics resources.

9-14 Marzo 2014 - Keystone Symposium on Inflammation, Infection and Cancer, Fairmont Chateau
Whistler, Whistler, British Columbia, Canada.
Elena Zagato, Tiziana Schioppa, Ilaria Spadoni, Fabiana Saccheri, Silvia Guglietta, Giuseppe Penna,
Marinella Marzano, Bruno Fosso, Graziano Pesole, Maria Rescigno. Role of bacteria and mucus system in
intestinal tumorigenesis.

25-26 Novembre 2013 - GDRE Comparative Genomics. Barcellona, Spain.
Fosso B., Santamaria M., Marzano M., Liuni S., Valient G., Pesole G. "BioMaS: a modular pipeline for
Bioinformatic analysis of Metagenomic AmpliconS".

4-8 Novembre 2013 - VECTORS Annual meeting and Regional Seas Workshop, Atene (Grecia).
Manzari C, Fosso B, Marzano M., Annese A, Intranuovo M, D'Erchia AM, Gissi C, Picardi E, Santamaria M,
Caprioli R, Scorrano S, Stabili L, Piraino S, Pesole G Aquatic microbiome diversity under the influence of
jellyfish bloom through the application of an Illumina-based protocol

3-6 Settembre 2013 Biodiversity Informatics Horizons 2013. Roma, Italia.
Fosso B, Santamaria M, Marzano M, Liuni S, Alonso-Alemany D, Valiente G, Pesole G. BioMaS: a modular
pipeline for Bioinformatic analysis of Metagenomic ampliconS.

12 – 14 Settembre 2012 - International Workshop - Molecular tools for monitoring marine invasive species;
Lecce (Italia).
Monica Santamaria, Bruno Fosso, Marinella Marzano, Caterina Manzari, Anna Maria D'Erchia and
Graziano Pesole. Experimental and computational strategies for exploring Biodiversity through
Metagenomic approaches.

Next Generation sequencing and epigenomics workshop 2012.
Fosso B., Santamaria M., Marzano M., Liuni S., Valient G., Pesole G. BioMaS: a modular pipeline for
Bioinformatic analysis of Metagenomic Amplicons.

Marzano M., Gallo A., Altomare C. Selection of one UV-induced mutant of *Trichoderma harzianum* with
improved biocontrol efficacy against *Fusarium oxysporum* f. sp. *Lycopersici*. International MPU workshop
2012: 84;

Fosso B., Santamaria M., Consiglio A., De Caro G., Grillo G., Licciulli F., Liuni S., Marzano M., Pesole G.
2012. ITSoneDB: a Specialized ITS1 Database for Amplicon-based Metagenomic Characterization of
Environmental Fungal Communities. BITS 2012. EMBnet journal 18.A: 90;

Santamaria M., Marzano M., Manzari C., Paluscio A., Tullo A., Sbisà E., Fosso B., Mulè G., Liuni S., Grillo
G., Licciulli F., Pesole G. 2011. High-Troughput Roche-454 amplicon sequencing of winemaking
metagenomes. NGS 2011 "Next Generation Sequencing" Workshop 3rd Edition (oral communication): 52-
53;

Santamaria M., Marzano M., Mulè G., Grieco F., Leo P., Cavalieri D., Manzari C., Saccone C., Pesole G.
2010. Metagenomics for food control: a protocol for the DNA extraction from microflora associated with
winemaking. CNR DSV Conference: 135.

Domenica D'Elia, Marina Mangiulli, Monica Santamaria, AnnaMaria Paluscio, Caterina Manzari, Mariano
Francesco Caratozzolo, Flaviana Marzano, Marinella Marzano, Elda Perlino, Paolo Fuzio, Alessio Valletti,
Anna Maria D'Erchia, Arianna Consiglio, Andreas Gisel, Saverio Vicario, Bachir Balech, Flavio Licciulli,
Giorgio Grillo, Sabino Liuni, Ernesto Picardi, Graziano Pesole, Elisabetta Sbisà, Apollonia Tullo 454 Gs-Flx
Titanium Platform: the experience of ITB-Ba. Next Generation Sequencing Workshop (Third Edition). p. 31-
33, Bari (Italia), 12-14 Ottobre 2011

Gallo A., Marzano M., Altomare C. 2007. Does *Trichoderma harzianum* really produce trichothecene

Bari, 9/07/2026

Firma

20



mycotoxins?. Journal of Plant Pathology. 89 (3, Supplement): S17;

Marzano M., Vurro M., Altomare C. 2007. Induction of UV mutants of *Trichoderma harzianum* tolerant to antifungal metabolites of *Fusarium oxysporum*. Journal of Plant Pathology. 89 (3, Supplement): S47-S48.

CAPACITA' E COMPETENZE PERSONALI

MADRELINGUA

ITALIANA

ALTRA LINGUA

INGLESE

2008 Conseguito del FIRST CERTIFICATE IN ENGLISH (FCE),
rilasciato dall'Università di Cambridge. Accreditation Number 500/2705/0
1996 Corso intensivo di lingua inglese, Glasgow, Scotland, UK
1995 Corso intensivo di lingua inglese, Uxbridge, England, UK

- *Capacità di lettura*
eccellente
- *Capacità di scrittura*
eccellente
- *Capacità di espressione orale*
eccellente

CAPACITÀ E
COMPETENZE
RELAZIONALI

Ottime capacità di relazionarsi con gli altri, di ascolto, di comunicazione, di confronto, di collaborazione, di gestione dei conflitti e di gestione delle relazioni interpersonali in ambito professionale. Ottime capacità di lavorare per obiettivi, lavorare in team, gestire la realizzazione di progetti a scadenza, di coordinare le diverse professionalità impegnate in un progetto.

CAPACITÀ E
COMPETENZE
TECNICHE

CONOSCENZE INFORMATICHE

06/04/2017 Conseguito della certificazione IT-Security-Livello

Specialised rilasciato da Associazione Italiana per l'Informatica ed il Calcolo Automatico (AICA), protocollo N. IT2235029

Buona conoscenza dei sistemi operativi WINDOWS 98, XP e Macintosh;

Buona conoscenza dei programmi di elaborazione grafica anche applicati alla fotocamera digitale (Adobe Photoshop);

Ottima conoscenza dei programmi del pacchetto OFFICE AUTOMATION (Word, Excel, PowerPoint, Outlook);

Ottima conoscenza degli strumenti di navigazione in rete;

Ottima conoscenza del sistema integrato "Entrez", uso avanzato di PubMed;

Buona conoscenza di banche dati e tools bioinformatici: NCBI BLAST e le sue varianti, PSI-BLAST, CAP ASSEMBLER, CHROMASLITE 200, CLUSTALW, SEARCH LAUNCHER, TRICHOKEY, CLC Sequence Viewer, U-Gene software, BioMaS.

Buona conoscenza dell'uso del terminale di Mac OS X.

PATENTE

Patente di guida B

Consapevole delle sanzioni penali, nel caso di dichiarazioni non veritiere, di formazione o uso di atti falsi, richiamate dall'art. 76 del D.P.R. 445/2000, dichiaro che quanto sopra corrisponde a verità. Autorizzo il trattamento dei dati personali contenuti nel mio curriculum vitae in base art. 13 del D. Lgs. 196/2003

Bari, 9/07/2026

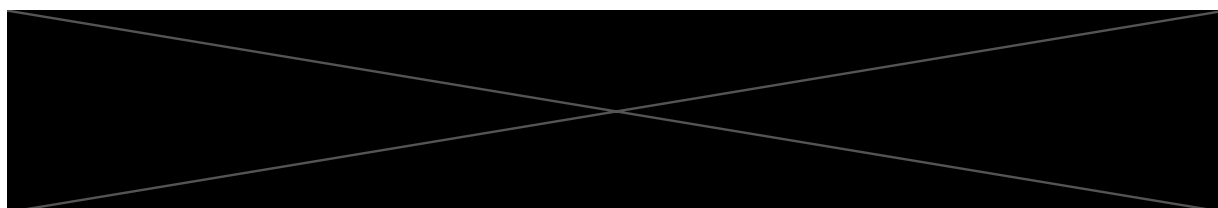
Firma

21



Bari, 09/07/2026

FIRMA





Bari, 9/07/2026

Firma

23

